

GenCore version 5.1.4\_p5\_4578  
Copyright (c) 1993 - 2003 CompuGen Ltd.

us-09-635-949-33

April 20, 2003, 09:18:52 : Search time 480 seconds

(without alignments)

9908.794 Million cell updates/sec

US-09-635-949-33

Perfect score:

Sequence:

Scoring table:

capop 10.0, Gapext 1.0

Searched:

2185249 seqs, 1125999159 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 4370478

Minimum DB seq length: 0

Maximum DB seq length: 2000000000

Post processing: Minimum Match 0%

Maximum Match 100%

Listing first 45 summaries

Database :	N_Geneseq_101002.*
1 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1980.DAT.*
2 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1981.DAT.*
3 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1982.DAT.*
4 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1983.DAT.*
5 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1984.DAT.*
6 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1985.DAT.*
7 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1986.DAT.*
8 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1987.DAT.*
9 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1988.DAT.*
10 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1989.DAT.*
11 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1990.DAT.*
12 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1991.DAT.*
13 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1992.DAT.*
14 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1993.DAT.*
15 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1994.DAT.*
16 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1995.DAT.*
17 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1996.DAT.*
18 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1997.DAT.*
19 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1998.DAT.*
20 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA1999.DAT.*
21 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA2000.DAT.*
22 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA2001A.DAT.*
23 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA2001B.DAT.*
24 :	/S10S2/accdata/geneseq/geneseq-emb1/NA2002.DAT.*

Pred. No. is the number of results predicted by chance to have a score greater than or equal to the score of the result being printed, and is derived by analysis of the total score distribution.

SUMMARIES

Result No.	Query Match	Score	Length	ID	Description
1	2112	100.0	2112	22	AAF74448 Human pro17 nucle
2	1585.4	75.1	4339	23	ABV75467 Human prostate exp
3	1577	74.7	1648	24	AAF74495 Clone 16467945.0.8
4	1552	74.5	4003	20	AAK52288 Protein pro334 cDN
5	1552	74.5	4003	22	AAK5950 Human tRNA encoding
6	1552	74.5	4003	22	AAF72426 Human pro334 cDNA
7	515	24.4	691	21	AAF74447 Human pro16 nucle
8	483	22.7	550	21	AAF76294 Human ORF ORF1849
9	419.6	19.9	690	22	AAI22819 Human breast cancer

c	10	489.6	18.4	683	22	AAI34957 Human breast cancer
	11	489.2	18.4	636	22	AAI184774 Human polynucleotid
	12	279.2	13.2	1611	20	AAK79503 Fragment of cDNA i
	13	279.2	13.2	1611	24	AAI44889 Human EGF motif co
	14	278.6	13.2	2465	20	AAK79501 cDNA insert of cD
	15	278.6	13.2	2465	24	AAI44890 Human EGF motif co
	16	278.6	13.2	2365	24	AAI44901 Human EGF motif co
c	17	277	13.1	2238	22	AAK98336 Human EST-derived
c	18	277	13.1	2238	22	AAI160098 Human polynucleotid
	19	277	13.1	2260	20	AAK34991 Human pro320 nucle
	20	277	13.1	2260	21	AAK78484 Human pro320 cDNA
	21	277	13.1	2260	21	AAK78484 cDNA clone DNA5228
	22	277	13.1	2260	21	AAK78484 Human pro320 cDNA
	23	277	13.1	2276	22	AAK66891 Human EXMA2-2 cDN
	24	277	13.1	2345	24	AAI44905 Human EGF motif co
	25	277	13.1	2360	24	AAI44964 Human EGF motif co
	26	277	13.1	2498	22	AAK94555 Human full-length
	27	277	13.1	2413	22	AAI58312 Human polynucleotid
	28	277	13.1	2413	24	AAI44906 Human EGF motif co
	29	277	13.1	2435	21	AAK47456 Human TANG2-2 cDN
	30	256	12.6	418	21	AAK76291 Human ORF ORF1845
	31	261.4	12.4	1180	21	AAK74480 Mouse TANG2-2 c
	32	257.8	12.2	854	21	AAK61818 cDNA encoding rat
	33	257.8	12.2	854	22	AAK94751 Skin cell cDNA, SE
	34	257.8	12.2	854	24	AAI44903 Rat cDNA isolated
c	35	257.8	12.2	2580	24	AAI34979 Human breast cancer
	36	253.4	12.0	993	22	AAI25098 Human cDNA SEQ ID
	37	224.2	10.6	1720	22	ABA06436 Human cDNA encodin
	38	224.2	10.6	1726	22	ABA26840 Human secreted pro
	39	180	7.6	162	21	AAK30721 Clone 16467945.0.8
	40	144	6.8	261	22	AAK74494 EGF motif containi
	41	141.6	6.7	400	20	AAK79502 Human EGF motif co
	42	141.6	6.7	400	24	AAI44888 Human prostate exp
c	43	99.4	4.7	465	23	ABV08368 Human prostate exp
c	44	99.4	4.7	382	23	ABV38275 Human prostate exp
	45	95.4	4.6	457	22	ABA09490 Human pro334 homol

ALIGNMENTS

RESULT 1  
AAF74448  
10 AAF74448 standard; cDNA: 2112 BP.

XX AAF74448:

XX 09-MAY-2001 (first entry)

XX Human pro17 nucleotide sequence SEQ ID NO:33.

XX Human: pro; proX; cytosolic; immunomodulatory; reproduction;

XX acute therapy; cell proliferation; differentiation disorder; cancer;

XX immune associated disorder; gestational disease; preclampsia; ss.

XX Homo sapiens.

XX W020110902 A2.

XX 15-FEB-2001.

XX 11-AUG-2000; 2000W-US21857.

XX 11-AUG-1999; 900S-0148433.

XX 10-AUG-2000; 2000US-0148433.

XX (CURA-) CURAGEN CORP.

XX Shimkets PA, Fernandes P;

XX W01-2001-147599/15.

XX P-PSUB; AAK70547.

APP

2300



QY 1801 TGGGTAAGGCTGGAGGTAACACACAGATACCTTGGGAGGAGGTGATGATCAACAGAGGTGGT 1860
 Db 1801 TGGGTAAGGCTGGAGGTAACACACAGATACCTTGGGAGGAGGTGATGATCAACAGAGGTGGT 1860
 QY 1861 CTTCAAAGGTGAAGAAAGGCTGGTACACATGGGAGGATGGATAGATGATGATGATGATGAT 1920
 Db 1861 CTTCAAAGGTGAAGAAAGGCTGGTACACATGGGAGGATGGATAGATGATGATGATGATGAT 1920
 QY 1921 GAAAAAGGCACTGCTCTGAGAAAGCTTAACAACTCAACAACTCAACAACTCAACAACTCAAC 1980
 Db 1921 GAAAAAGGCACTGCTCTGAGAAAGCTTAACAACTCAACAACTCAACAACTCAACAACTCAAC 1980
 QY 1981 GTTGTCTTACCTCTTTTTCCTCAATTCATCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT 2040
 Db 1981 GTTGTCTTACCTCTTTTTCCTCAATTCATCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT 2040
 QY 2041 TAGCAAGAGTGGTGGCTGAGTGAAGAGAGTGTATTCTGTGACCTGCTGCTGCTGCTGCTG 2100
 Db 2041 TAGCAAGAGTGGTGGCTGAGTGAAGAGAGTGTATTCTGTGACCTGCTGCTGCTGCTGCTG 2100
 QY 2101 GGTGCTTTTGT 2112
 Db 2101 GGTGCTTTTGT 2112
 RESULT 2
 ARV25467
 ID ARV25467 standard; cDNA: 4339 bp.
 XX
 AC ARV25467;
 XX
 DI 16-SEP-2002 (first entry)
 XX
 DE Human prostate expression marker cDNA 25458.
 XX
 KW Human; prostate cancer; cytostatic; carcinogen; pharmacodynamic marker;
 KW pharmacogenomic marker; gene; ss.
 XX
 OS Homo sapiens.
 XX
 PN W0200160860-A2.
 XX
 PU 24-AUG-2001.
 XX
 PF 20-FEB-2001; 2001W0-US05171.
 XX
 PR 17-FEB-2000; 2000US-183419P.
 PR 16-MAR-2000; 2000US-189862P.
 PR 25-MAY-2000; 2000US-207454P.
 PR 09-JUN-2000; 2000US-211314P.
 PR 18-JUL-2000; 2000US-219007P.
 PR 13-SEP-2000; 2000US-255281P.
 XX
 PA (MILLIC) MILLENNIUM PREDICTIVE MEDICINE INC.
 XX
 PI Schlegel B, Endeque W, Monahan JE;
 XX
 LR W01: 2001-062795/76.
 XX
 PF Novel isolated nucleic acid molecule associated with cancerous state of
 PF prostate cells and correlating with presence of prostate cancer, useful
 PF for detecting presence of prostate cancer, stage of prostate cancer -
 XX
 PS Claim 1; Page 5006-5007; 11750pp; English.
 XX
 CC The invention relates to an isolated nucleic acid molecule (1) comprising
 CC a nucleotide sequence given in Tables 1-9 (ARV00010-ARV62214) of the
 CC specification or its complement. (1) is useful for:
 CC (a) assessing whether a patient is afflicted with prostate cancer;
 CC (b) monitoring the progression of prostate cancer in a patient;
 CC (c) assessing the efficacy of a test compound to inhibit prostate
 CC cancer in a patient;
 CC (d) assessing the efficacy of a therapy for inhibiting prostate cancer

is a patient;

(c) selecting a composition for inhibiting prostate cancer in a patient;
 (d) assessing the prostate cell carcinogenic potential of a compound;
 (e) determining whether prostate cancer has metastasized in a patient;
 (f) assessing the aggressiveness or indolence of prostate cancer in a
 patient;
 (1) is also useful as a pharmacodynamic or pharmacogenomic marker.

XX Sequence 4339 bp; 1289 A; 857 C; 969 G; 1215 T; 9 other;
 SQ

Query Match 75.18; Score 1585.4; DB 23; Length 4339;
 Best Local Similarity 99.6%; Pred. No. 0;
 Matches 1589; Conservative 0; Mismatches 6; Indels 0; Gaps 0;

QY 518 GTCTAAATGATGTTGGCTGAAAGGCTGGTGAAGGACACAGGTGATCAACACTTAC 577
 Db 518 GTCTAAATGATGTTGGCTGAAAGGCTGGTGAAGGACACAGGTGATCAACACTTAC 577
 QY 578 GGTAGCTCAACAGGTACGTGTAAAGGATATATGCTCATGCTGATGGTGTGTGTGCTCA 637
 Db 578 GGTAGCTCAACAGGTACGTGTAAAGGATATATGCTCATGCTGATGGTGTGTGTGCTCA 637
 QY 638 GGTAGCTCAACAGGTACGTGTAAAGGATATATGCTCATGCTGATGGTGTGTGTGCTCA 697
 Db 638 GGTAGCTCAACAGGTACGTGTAAAGGATATATGCTCATGCTGATGGTGTGTGTGCTCA 697
 QY 698 ATAGGCTCAACAGGTACGTGTAAAGGATATATGCTCATGCTGATGGTGTGTGTGCTCA 757
 Db 698 ATAGGCTCAACAGGTACGTGTAAAGGATATATGCTCATGCTGATGGTGTGTGTGCTCA 757
 QY 758 GATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 817
 Db 758 GATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 817
 QY 818 GATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 877
 Db 818 GATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 877
 QY 878 AAATATCAATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 937
 Db 878 AAATATCAATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 937
 QY 938 AAATATCAATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 997
 Db 938 AAATATCAATGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 997
 QY 998 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1057
 Db 998 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1057
 QY 1058 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1117
 Db 1058 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1117
 QY 1118 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1177
 Db 1118 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1177
 QY 1178 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1237
 Db 1178 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1237
 QY 1238 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1297
 Db 1238 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1297
 QY 1298 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1357
 Db 1298 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1357
 QY 1358 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1417
 Db 1358 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1417
 QY 1418 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1477
 Db 1418 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1477



DB 490 TTTAGGCAAAAGTGGTCAACACATTTCAGAGCTTACATCTGCAAGGTGTCATATAAGGCTTCGAT 549  
QY 860 CTTCATGATATTGAGGCAAAATATCAATGTCATGATATAGACGAAGATGCTACCTTGGTCAG 919  
DB 550 CTTCATGATATTGAGGCAAAATATCAATGTCATGATATAGACGAAGATGCTACCTTGGTCAG 609  
QY 920 TATCAGTGTAGAGAGCTTTTCTGATGATTTATACGTAATGTCATGATGTCATGATGTCATGAT 979  
DB 610 TATCAGTGTAGAGAGCTTTTCTGATGATTTATACGTAATGTCATGATGTCATGATGTCATGAT 669  
QY 980 AAAGAGGATACAGAGGTCATGAGCTGATGTCGTCATATACCAAAATTTATGATGATGAA 1039  
DB 670 AAAGAGGATACAGAGGTCATGAGCTGATGTCGTCATATACCAAAATTTATGATGATGAA 729  
QY 1040 CTTTCAGTGTGCAATTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1099  
DB 730 CTTTCAGTGTGCAATTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 789  
QY 1100 AATAAATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1159  
DB 790 AATAAATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 849  
QY 1160 CTTTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1219  
DB 850 CTTTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 909  
QY 1220 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1279  
DB 910 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 969  
QY 1280 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1339  
DB 970 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1029  
QY 1340 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1399  
DB 1030 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1089  
QY 1400 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1459  
DB 1090 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1149  
QY 1460 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1519  
DB 1150 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1209  
QY 1520 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1579  
DB 1210 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1269  
QY 1580 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1639  
DB 1270 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1329  
QY 1640 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1699  
DB 1330 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1389  
QY 1700 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1759  
DB 1390 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1449  
QY 1760 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1819  
DB 1450 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1509  
QY 1820 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1879  
DB 1510 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1569  
QY 1880 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1939  
DB 1570 ATAGCAATTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1629

QY 1940 GAAAGAAAGT 1948  
DB 1630 GAAAGAAAGT 1638  
RESULT 4  
AA52268  
ID AA52268 standard; DNA; 3003 BP.  
XX AA52268;  
AC AA52268;  
DT 25-JUN-1999 (first entry)  
XX Protein D60334 cDNA clone DNA41379-1236.  
KW Secreted protein; transmembrane protein; human; enterocolitis;  
KW Zollinger-Ellison syndrome; gastrointestinal ulceration;  
KW congenital microvillus atrophy; skin disease; cell growth;  
KW abnormal keratinocyte differentiation; psoriasis; epithelial cancer;  
KW Parkinson's disease; Alzheimer's disease; ALS; neuropathy;  
KW fibrinolytic; dermal scarring; Usher Syndrome; Atrophid areata;  
KW anti-thrombotic; wound healing; tissue repair; ss.  
OS Homo sapiens.  
PN W09414428-A2.  
XX 25-MAR-1999.  
XX 16-SEP-1999; 98W0-US19430.  
XX 25-NOV-1997; 970S-0066840.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059114.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059115.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059117.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059119.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059121.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059122.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0059124.  
PR 18-SEP-1997; 970S-0059263.  
PR 18-SEP-1997; 970S-0059266.  
PR 18-SEP-1997; 970S-0062125.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0062285.  
PR 17-SEP-1997; 970S-0062287.  
PR 21-SEP-1997; 970S-0063486.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0062814.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0062816.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0063045.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0063120.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0063121.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0063127.  
PR 24-SEP-1997; 970S-0063128.  
PR 27-SEP-1997; 970S-0063329.  
PR 27-SEP-1997; 970S-0063327.  
PR 28-SEP-1997; 970S-0063541.  
PR 28-SEP-1997; 970S-0063542.  
PR 28-SEP-1997; 970S-0063544.  
PR 28-SEP-1997; 970S-0063549.  
PR 28-SEP-1997; 970S-0063550.  
PR 28-SEP-1997; 970S-0063564.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0063435.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0063704.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0063742.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0063748.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0063744.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0064215.  
PR 29-SEP-1997; 970S-0063735.  
PR 31-SEP-1997; 970S-0063870.  
PR 31-SEP-1997; 970S-0064133.  
PR 05-NOV-1997; 970S-0064248.  
PR 07-NOV-1997; 970S-0064809.  
PR 12-NOV-1997; 970S-0064806.













XX 41-MAR-1999; 990S-0127607.  
 PR 02-APR-1999; 990S-0127646.  
 PR 05-APR-1999; 990S-0127728.  
 PR 40-MAR-2000; 2000S-0540763.  
 XX  
 DA (CITRA ) CHRAZEN CORP.  
 XX  
 PI Shimkets RA, Leach M;  
 XX  
 XX WPI: 2000 602462/57.  
 PR P-Sub: AAR42085.  
 XX  
 PI Novel nucleic acids and peptides derived from open reading frame X,  
 PI useful for treating e.g. cancers, proliferative disorders,  
 PI neurodegenerative disorders and cardiovascular disease -  
 XX  
 XX Claim 5; Page 2849; 5507pp; English.  
 XX  
 CC AAC74446 to AAC77606 encode the proteins given in AAR40237 to AAR43397,  
 CC which represent the human OREX open reading frames 1 to 3161. The OREX  
 CC sequences have activities such as: cytostatic; hepatotropic; vulnery;  
 CC antiproliferative; antiparkinsonian; neuroprotective;  
 CC osteoprotective; anticonvulsant; antidiabetic; immunosuppressive;  
 CC immunostimulant; cardiac; thrombolytic; coagulant; vasotropic;  
 CC antidiabetic; hypotensive; dermatological; immunosuppressive;  
 CC antiinflammatory; antibacterial; antiviral; antifungal; antirheumatic;  
 CC antithyroid; and antianemic. The sequences can be used for determining  
 CC the presence of or predisposition to, or preventing or treating  
 CC pathological conditions associated with an OREX associated disorder. The  
 CC nucleic acids can be used to express OREX proteins in gene therapy  
 CC vectors. The proteins and nucleic acids may be used to treat cancers,  
 CC proliferative disorders, neurodegenerative disorders, osteoarthritis,  
 CC graft vs host disease, cardiovascular disease, diabetes mellitus,  
 CC hypertension, hypothyroidism, cholesterol ester storage, systemic lupus  
 CC erythematosus, severe combined immunodeficiency (SCID), AIDS, viral,  
 CC bacterial or fungal infection, malaria, autoimmune disorders, asthma,  
 CC allergies, aplastic anemia, burns, wounds, bone and cartilage damage,  
 CC nocturnal haemoglobinuria, anti-inflammatory disease; to enhance  
 CC coagulation; to inhibit thrombosis; and as a contraceptive.  
 XX  
 SQ Sequence 550 BP; 127 A; 130 C; 160 G; 132 T; 1 other;

Query Match 22.78; Score 480; EB 21; Length 550;  
 Best Local Similarity 90.79; Pred. No. 1.4e-111;  
 Matches 544; Conservative 0; Mismatches 5; Indels 51; Gaps 1;

QY 252 CGGCGGCGGAGTTGACGCGGAGTGCGGCGGAGCAAAATAGTGTATGCGGATGTC 311  
 DB 2 CGGCGGCGGAGTTGACGCGGAGTGCGGCGGAGCAAAATAGTGTATGCGGATGTC 61  
 QY 312 GTTATGCTGGGAGGATTGACTGCTGCTGCGGCGGCGGCGGAGTGTGCGGAGAGTGC 371  
 DB 62 GTTATGCTGGGAGGATTGACTGCTGCTGCGGCGGCGGAGTGTGCGGAGAGTGC 121  
 QY 372 AGCTTTCTACGCTTAAAGGAGAGAGATAGCAAGATAGTGTGCTGCTGCTGCTGCT 431  
 DB 122 AGT.....CTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 130  
 QY 442 GCAACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 491  
 DB 141 GCAACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 190  
 QY 492 GTTATGCTGGGAGGATTGACTGCTGCTGCGGCGGCGGAGTGTGCGGAGAGTGC 551  
 DB 191 GTTATGCTGGGAGGATTGACTGCTGCTGCGGCGGCGGAGTGTGCGGAGAGTGC 250  
 QY 552 GTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 611  
 DB 251 GTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 310  
 QY 612 GTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 671  
 DB 1 GTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 63

DB 311 TGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 371  
 QY 672 ATGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 741  
 DB 471 ATGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 440  
 QY 742 TGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 791  
 DB 441 TGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 490  
 QY 792 GGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 851  
 DB 491 GGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 550  
 RESULT 9  
 AAL22819 standard; cDNA; 690 BP.  
 ID AAL22819  
 AC AAL22819  
 XX 07-DEC-2001 (first entry)  
 XX Human breast cancer expressed polynucleotide 15276.  
 XX Human breast cancer; cell marker; cytostatic; ss.  
 XX Homo sapiens.  
 XX W:2001:51628:2.  
 XX 19-JUL-2001.  
 XX 10-JAN-2001; 2601W-US00798.  
 XX 14-JAN-2000; 2000S-0176477.  
 XX 14-MAR-2000; 2000S-0169167.  
 XX 24-MAR-2000; 2000S-0192099.  
 XX 29-MAR-2000; 2000S-0193480.  
 XX 15-MAY-2000; 2000S-0205240.  
 XX 09-JUN-2000; 2000S-0211415.  
 XX 25-JUL-2000; 2000S-0220544.  
 XX (MILL ) MILLENNIUM PREDICTIVE MEDICINE INC.  
 XX Lallie J, Xu Y, Ward Y, Steinmann K;  
 XX WPI: 2001-451856/48.  
 XX New peptide useful as a marker for the diagnosis of breast cancer -  
 XX Claim 1; Page 2767; 4695pp; English.  
 CC The invention relates to human breast cancer expressed polynucleotides  
 CC (AAL27544-AAL2789) and methods of assessing whether a patient is  
 CC afflicted with breast cancer by examining the correlation between the  
 CC expression of certain markers and the cancerous state of breast cells.  
 CC The polynucleotides and encoded polypeptides are potential markers for  
 CC detection, diagnosis, monitoring, characterizing treatment and  
 CC potentially preventing breast cancer. The polynucleotides and encoded  
 CC polypeptides are also useful for isolating compounds with cytostatic  
 CC activity.

SQ Sequence 690 BP; 167 A; 153 C; 182 G; 186 T; 2 other;

Query Match 19.98; Score 419.6; DB 22; Length 690;

Best Local Similarity 98.94; Pred. No. 3.2e-96;

Matches 444; Conservative 0; Mismatches 4; Indels 1; Gaps 1;

QY 1676 GTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1745  
 DB 1 GTTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 63









